

Study on Molecular Miscibility and Domain Formation in Adsorbed Monolayer and Lipid Bilayer

平城, 慎也

<https://hdl.handle.net/2324/2236030>

出版情報：九州大学, 2018, 博士（理学）, 課程博士
バージョン：
権利関係：



氏 名 : 平城 慎也

論 文 名 : Study on Molecular Miscibility and Domain Formation in Adsorbed Monolayer and Lipid Bilayer
(吸着単分子膜と脂質二分子膜における分子混和性とドメイン形成に関する研究)

区 分 : 甲

論 文 内 容 の 要 旨

生体膜には“ラフト”と呼ばれる局所的に構造や分子組成の異なる数十 nm 程度のナノドメインが存在し、物質透過やシグナル伝達等の機能発現の場として注目されている。生体膜を模したリン脂質やコレステロール(Chol)からなる混合膜においても、分子構造や組成に依存した多様なドメイン形態(サイズ・形状)が見出されている。この様な不均一膜中のドメイン境界線ではpN(10^{-11} N)オーダーの線張力 τ (過剰エネルギー)が生じており、 τ に寄与する2つの因子; ドメインと周囲の溶媒との接触に起因し界線を収縮させる接触エネルギー τ_0 と、配向分子間に働き界線を伸長させる双極子間斥力 τ_{el} の拮抗($\tau = \tau_0 + \tau_{el}$)で、ドメインの形態が支配されると考えられている。一方、ドメイン内部と外部の構造や分子混和性の定量評価法が極端に少ないことに加え、線張力の計測手段が計測対象のドメインの形状や性質に依存し制限されることから、混合膜における多様な形態のドメイン形成原理は今なお理解に至っていない。そこで本研究では、膜組成と分子間相互作用を巨視的熱力学量として定量評価できる界面張力法と、膜の微視的構造を評価できるX線反射率(XR)法に着目し、ソフト界面吸着膜におけるドメイン内外の組成・分子配列と分子間相互作用との関連性を定量的に検討した。さらに、ブリュースター角顕微鏡(BAM)法によるドメイン形態の観察結果から、分子混合による形態変化を線張力の観点より考察した。さらに生体膜のより良いモデルである脂質二分子膜系におけるドメイン線張力の計測基盤の確立を試みた。

研究1. 単鎖リン脂質-コレステロール混合系吸着膜における分子混和性とドメイン形成

まず生体膜の最も基本的なモデルとして水溶性の単鎖リン脂質(C14PC)と油溶性のCholからなるヘキサソール/水界面単分子膜(吸着膜)を研究対象に選んだ。界面張力法より得られた界面圧 vs. 一分子占有面積曲線からは、気体膜(G)、膨張膜(E)、固体膜(C)、及びEとCの間中間的な膜状態(Im)の4種類の吸着膜が確認された。吸着の相図及びXR測定より決定された電子密度プロファイルから、C14PCに富むE膜では電荷の解離したホスホコリン(PC)基間の静電反発を緩和するようC14PC分子はstaggered配列しており、CholとC14PCが約1:1で混合したC膜ではstaggered構造が緩和されたC14PC分子の疎水鎖間にCholが貫入し密充填した構造をとることが判明した。C膜でのChol分子の活量係数 $f_{Ch}^{H,C}$ が1より小さい(~0.2)ことを併せると、異種分子の親水基間に働く水素結合と疎水基間の効果的な充填によって得られるvdW相互作用がC膜形成の駆動力であることが分かった。BAM観察より、E-C膜間相転移点近傍のC膜は円形のEドメインが分散した不均一構造であること、ドメイン内外におけるC14PC組成の増加と共にEドメインの半径 R_{eq} は小さくなることを見出され、混合に伴う線張力 τ の低下が示唆される。一方、吸着分子間の双極子が大きく異なる場合、従来の理論式では τ_0 と τ_{el} を正確に算出することが難しいことも判明した。

研究2. パルミチン酸メチル-コレステロール混合系吸着膜における分子混和性とドメイン形成

先の結果を踏まえ、Cholとの間に水素結合の形成が予想され且つCholと似た双極子を有する油性のPalmitic acid methyl (MePa)とCholとの混合系単分子膜を採用した。この混合系では、ヘキサン溶液中のChol組成が高い場合には濃度の増加に伴い順にG→E→C膜へと相転移し、低い場合にはG膜からC膜へと転移する。吸着の相図より全ての膜においてChol組成 X_{Ch}^H が約0.9と極めてCholに富み、 $f_{Ch}^{H,C}$ 値よりMePaとCholの親水基間に水素結合が働く反面、円筒型のMePaと逆接頭円錐型のChol分子の疎水鎖同士では効果的に充填できないため、混合しにくいことが分かった。BAM観察からは、G-C及びE-C膜相転移点直後のC膜領域に円形のドメインが分散した構造が確認され、X線反射率のドメインモデル解析より円形ドメインはそれぞれ転移点直前の膜構造にほぼ等しいことが判明した。さらに図1の様に、膜中のMePa組成が増えるにつれE、Cドメインの R_{eq} は減少し、 τ_0 と τ_{el} の算出よりその原因が τ_0 の減少にあることが分かった。電子密度プロファイルから見積もられるドメイン内外の厚みの差 ΔL から判断すると、 τ_0 の低下は、ドメイン/ヘキサン溶媒間接触面の減少やMePaのドメイン境界線への吸着(界線吸着)の効果によるものと結論付けた。

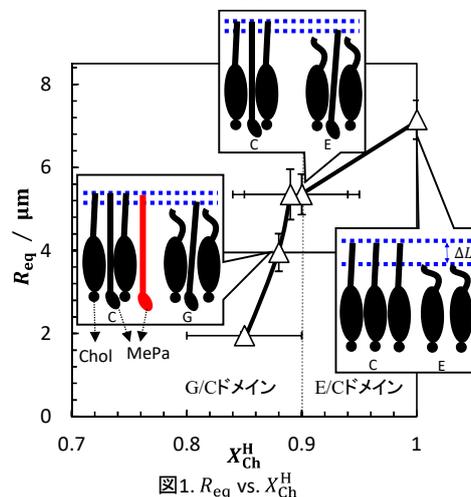


図1. R_{eq} vs. X_{Ch}^H

研究3. 飽和脂質-不飽和脂質-コレステロール3成分系二分子膜における線張力の定量

生体膜により近いモデル膜としてDSPC(またはbSM)-DOPC-Cholからなる3成分系二分子膜(Giant Unilamellar Vesicle; GUV)を研究対象に採用した。これらGUVでは、膜の組成に依存して液体秩序(Lo)ドメインと液体無秩序(Ld)ドメインが共存した不均一構造が出現する(図2)。また、ドメイン間の厚みの差 ΔL を埋めるようにドメイン境界近傍の分子がbend、tilt、spray等の弾性変形を起こし、この変形エネルギー τ_{elas} が単分子膜系の τ_0 に相当する($\tau = \tau_{elas} + \tau_{el}$)。線張力の計測には、簡便性や単分子膜系と二分子膜系の両方に適用できること等を考慮し、ドメイン境界の熱揺らぎのフーリエ級数解析から線張力 τ を求めるflicker spectroscopy(揺らぎ法)を採用した。

図2の様にLo/Ld共存領域における対応線(tie line)を基にドメイン組成が決められ、DSPCを含む系では1.1 pNから臨界点に最も近い組成で0.4 pNの、bSMを含む系では0.8 pNから0.44 pNの線張力が計測された。線張力に関する弾性理論に基づき二分子膜の弾性係数や自発曲率から τ_{elas} を計算したところ、その値は実測値を大きく上回り、理論の改良及び弾性係数等の物性値をより詳細に検討する必要があることが判明した。一方で、臨界点に近づくにつれ線張力が低下する傾向は再現され、Lo/Ldドメイン内での組成変化がドメイン境界線における分子の配向やコンホメーションを変え、線張力に影響を及ぼすことが判明した。

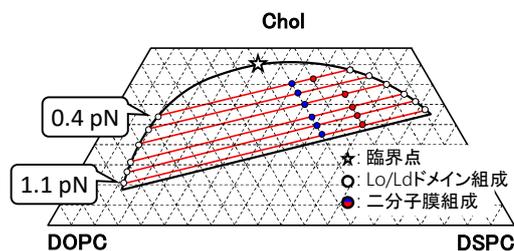


図2. DSPC-DOPC-Chol系の相図と線張力の計測値