九州大学学術情報リポジトリ Kyushu University Institutional Repository

Crosstalk Between Autophagy and the Ubiquitin-Proteasome System in the Silkworm, Bombyx mori

季,明明

https://hdl.handle.net/2324/1807118

出版情報:九州大学, 2016, 博士(農学), 課程博士

バージョン:

権利関係:やむを得ない事由により本文ファイル非公開(2)

氏 名:季 明明

論文題名: Crosstalk Between Autophagy and the Ubiquitin-Proteasome System in the Silkworm,

Bombyx mori

(カイコにおけるオートファジーとユビキチン-プロテアソームシステムのクロストーク)

区 分:甲

論文内容の要旨

オートファジーとユビキチン-プロテアソームは、細胞に必須の恒常性維持機構として、種を超えて保存されている。両システムは、細胞内のタンパク質やオルガネラの分解・再利用に独立して機能してると考えられてきたが、近年では両者の間に密接なクロストークがあることが報告されている。本研究では、カイコのオートファジー因子の解析を通じて、昆虫におけるオートファジーの特異性とユビキチン-プロテアソームシステムのクロストークについての解析を行った。

オートファジーの主要因子である Atg8 には、ヒトでは機能的にリダンダントな7種のホモログが知られているが、カイコには1種しか存在せず、その機能阻害は致死的である。本研究では、カイコ Atg8 が、フォスファチジルエタノールアミン (PE) 化修飾を受けて、細胞質内の膜状の構造体に局在すること、 Atg4b が Atg8の PE 化とそのリサイクルを担っていることを明らかにした。さらに、カイコにおけるオートファジーを解析するために、Flag-BmAtg8-PE および、EGFP-BmAtg8を導入した2種のカイコ由来遺伝子組換え細胞を樹立した。EGFP-BmAtg8 で簡便に追跡できるオートファジー顆粒の形成は、プロテアソーム阻害剤として知られるMG132により阻害されることを見出した。

次に、もう一つのオートファジーマーカー因子である p62 についても、オートファジーとユビキチン-プロテアソームシステムのクロストークメディエーターとしての機能を解析した。まず、カイコ p62 をクローニングし、Atg8 と同様のモニターシステムを構築したところ、カイコ p62 は、p62 body と呼ばれる大小2種の顆粒状構造を形成すること、その相違は、p62 の PB1 および UBA ドメインに依存していることを明らかにした。また、p62 は、UBA ドメインを介してユビキチン化タンパク質に結合することにより、p62 body を形成すること、AIM モチーフを介してAtg8と相互作用し、この相互作用が p62 を含む構造体のオートファジーによる分解に重要であることを明らかにした。興味深いことに、プロテアソーム因子である Rpt1 と Rpn10 も p62 を含む構造体のオートファジーによる分解に重要な役割を果たしていた。

以上の結果より、カイコは、限られた数の因子でオートファジー経路を保存している有用な研究 材料であると考えられた。このシステムを活用することにより、これまで未解明な部分が多く残さ れていたオートファジーとユビキチン-プロテアソームシステムのクロストークを担うタンパク質 の分子構造や分子間相互作用の概要を明らかにすることができた。